

# 広島大学自然科学研究支援開発センター機器共用・分析部(霞)

## 2023年度 企業共催セミナー 第6回

共用機器のさらなる活用を目的とした技術セミナーの他に、学長裁量経費や概算要求などで要求していく際の学内需要の把握等を目的とした未導入の設備や機器の技術紹介セミナー等についても実施していきます。  
機器共用・分析部(霞) [acols@hiroshima-u.ac.jp](mailto:acols@hiroshima-u.ac.jp)

amelieff

## バイオインフォマティクスを活用した RNA-seq/シングルセルRNA-seq解析入門

日時: 2023年 **11月17日** (金) 16:00~17:00

会場: オンライン (Zoomウェビナー)

共催: アメリエフ株式会社

申込: [https://amelieff.jp/231117\\_hirosima/](https://amelieff.jp/231117_hirosima/) または右記QRコードからお申し込みください。

セミナーは事前登録制です。ご参加いただけなかった方へも資料とセミナーの録画をお送りしますのでご希望の方は上記リンクよりご登録ください。



### 講演内容

多くの研究で次世代シーケンサが利用されており、さまざまな解析ソフトウェアが公開されていますが、「論文のmethodsを参考にバイオインフォマティクス環境」を整備するハードルは高いのが現状です。

本セミナーでは、RNA-seqおよびシングルセルRNA-seqにおいて、次世代シーケンサから出力される転写産物の発現量の定量や品質管理、群間比較の統計的な解析など、バイオインフォマティクスの手順についてご説明します。また、データ解析結果の解釈や、生物学的な解釈の進め方について解説します。

バイオインフォマティクスでどのようなデータ解析が行われているかわからず不安な方、データ解析結果の読み方や意味を理解したい方のお悩みを解消するソリューションをご紹介します。

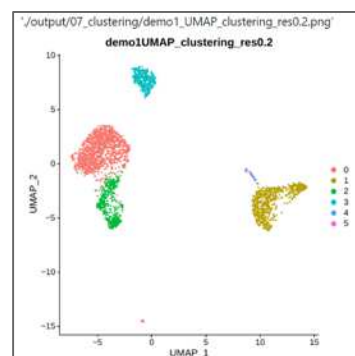
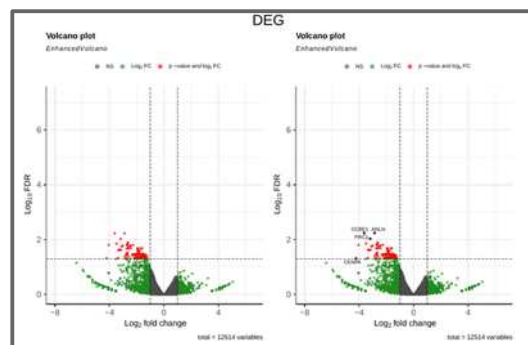
### こんな方におすすめ

- ・バイオインフォマティクス解析の内容を知りたい方
- ・データ解析結果の読み方や意味を知りたい方
- ・ご自分でバイオインフォマティクス解析を行いたい方

### 演者紹介

山口 昌雄 アメリエフ株式会社 代表取締役社長

略歴 2000 理化学研究所 遺伝子多型研究センター  
2004 京都大学 博士後期課程入学  
2004-6 パリ第6大学 留学  
2007 京都大学 博士後期課程修了  
2009 アメリエフ株式会社設立  
東京医科歯科大学 客員教授



お問い合わせ先: [sales@amelieff.jp](mailto:sales@amelieff.jp)

**【注意】本セミナーへの参加申込フォームでご登録いただいた個人情報の取扱いについて**

1. 取得した個人情報は個人情報法に基づき本セミナーの目的以外では使用いたしません。
2. 取得した個人情報は共催企業とその販売代理店とで共有されることを予めご了承ください。
3. 取得した個人情報については共催企業のデータベースに登録されることを予めご了承ください。